MOLEKÜLER PATOLOJİ İÇİN

Somatik varyant analizinde bütün resmi görün.

DNA ve RNA bulgularından kanıt değerlendirmesine ve raporlamaya, bütünleşik bir analiz deneyimi.



DNA + RNA

Birlikte değerlendirme

Hızlandırılmış işleme

≈30 dakika / örnek

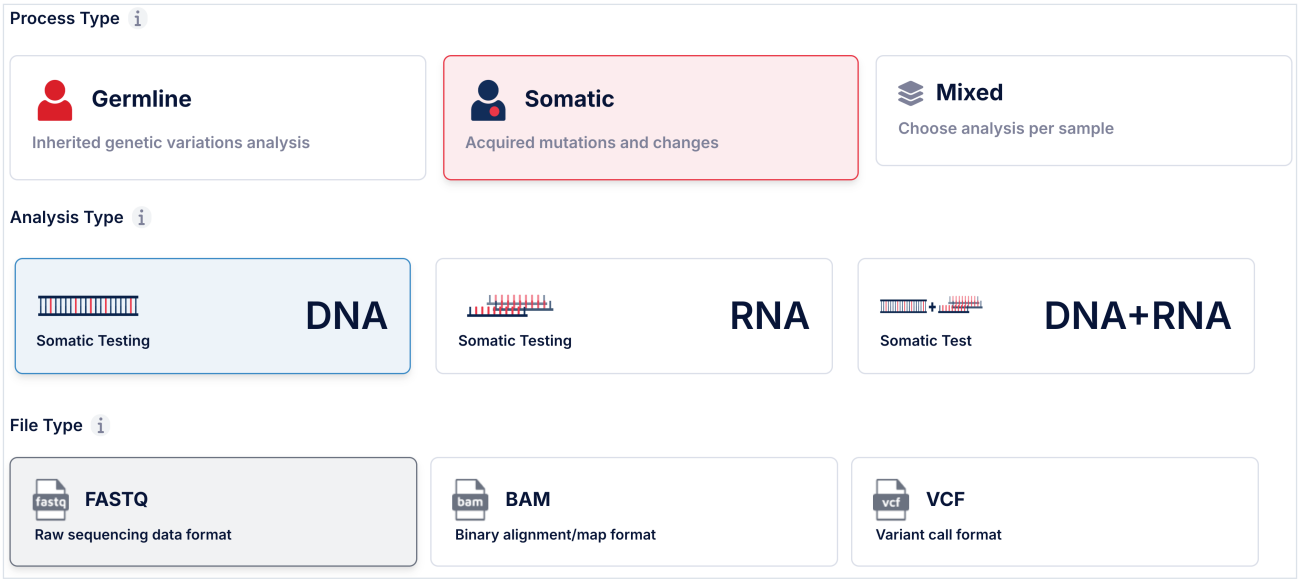
Veri kurumunuzda

Federe ağ mimarisi

Dosyadan analize, tek akışta.

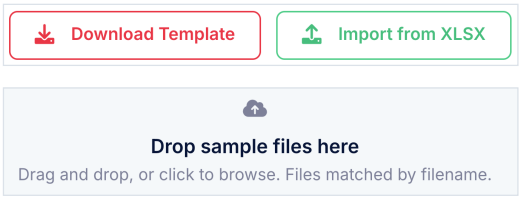
DNA, RNA veya DNA+RNA analizini seçin.
Dosyalarınızı ekleyin; işlemeyi başlatın ve kaliteyi inceleyin.

01 / ANALİZ VE DOSYA TÜRÜ



Gennext, germline varyant analizini de destekler.

02 / TOPLU DOSYA YÜKLEME



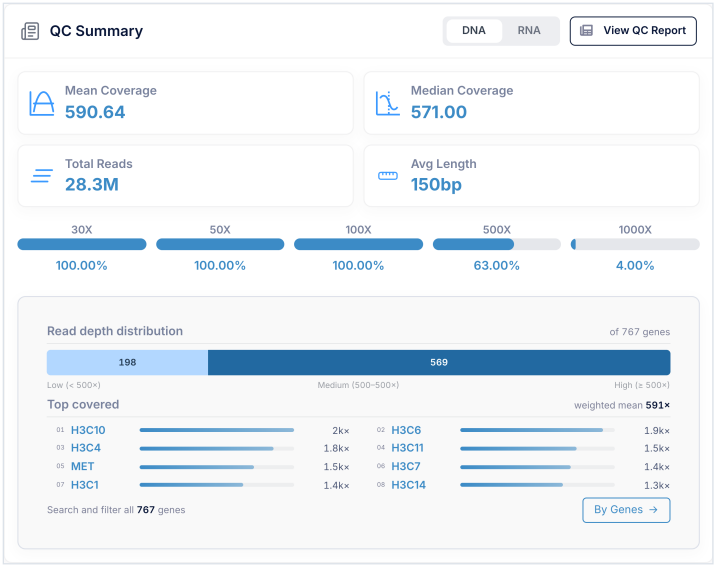
Örnek bilgilerini Excel'den içe aktarın; ilgili dosyaları birlikte yükleyin.

≈30

dakika / örnek

DNA + RNA birlikte

03 / KALİTEYİ İNCELEYİN



QC Summary: okuma ölçümleri, kapsam eşikleri ve gen dağılımı.

Tümör tipine göre önceliklendirin.

Yükleme sırasında seçilen tümör tipiyle ilişkili varyantlar öne çıkar.
Klinik ve işlevsel filtrelerle incelemenizi daraltın.

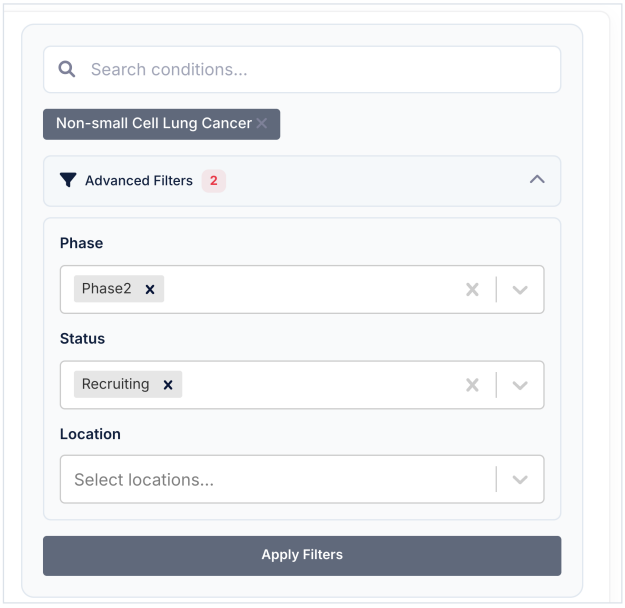
SEÇİLİ GEN VE VARYANT / MET



NSCLC örneği · MET p.D963_R974del · Likely Oncogenic

Klinik araştırmaları adım adım filtreleyin

01 / KRİTERLERİ SEÇİN



Hastalık, faz ve durum seçin.
İsterseniz konum ekleyin.

02 / SONUÇLARI İNCELEYİN



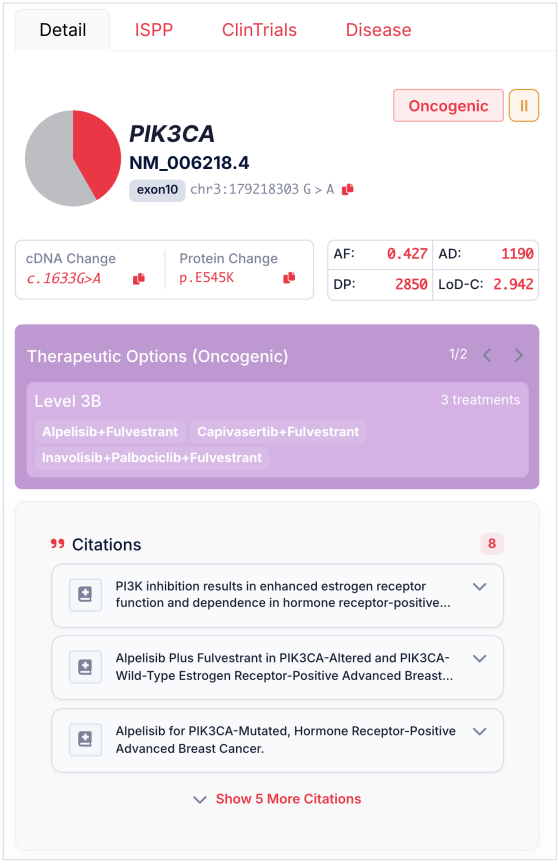
Apply Filters ile listeyi daraltın; filtrelenmiş kayıtlardan araştırma ayrıntılarını açın.

Bu örnekte: NSCLC, Phase2 ve Recruiting. Listede eşleşen iki araştırma kaydı gösteriliyor.

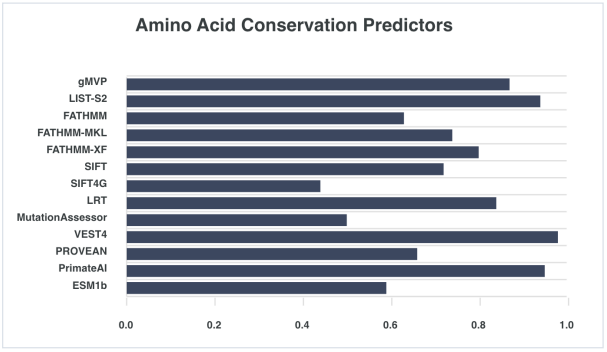
Varyantı kanıtlarıyla inceleyin.

Sınıflama, allelik fraksiyon ve tedavi seçeneklerini inceleyin.
Citation kayıtlarından güncel literatüre kolayca erişin.

PIK3CA p.E545K / AYRINTI PANELİ



ISPP / AYNI VARYANT



İşlevsel etki tahminlerini aynı varyant için karşılaştırın.

LoD-C: okuma desteği

Aynı %5 AF; 5/100, 50/1.000 veya 500/10.000 okumaya dayanabilir. LoD-C, okuma sayılarına göre gerçek sinyal için istatistiksel desteği değerlendirir.

LoD-C > 2,5: anlamlı istatistiksel destek

Klinik önem ayrıca değerlendirilir.

IGV / AYRI OKUMA İNCELEME ÖRNEĞİ



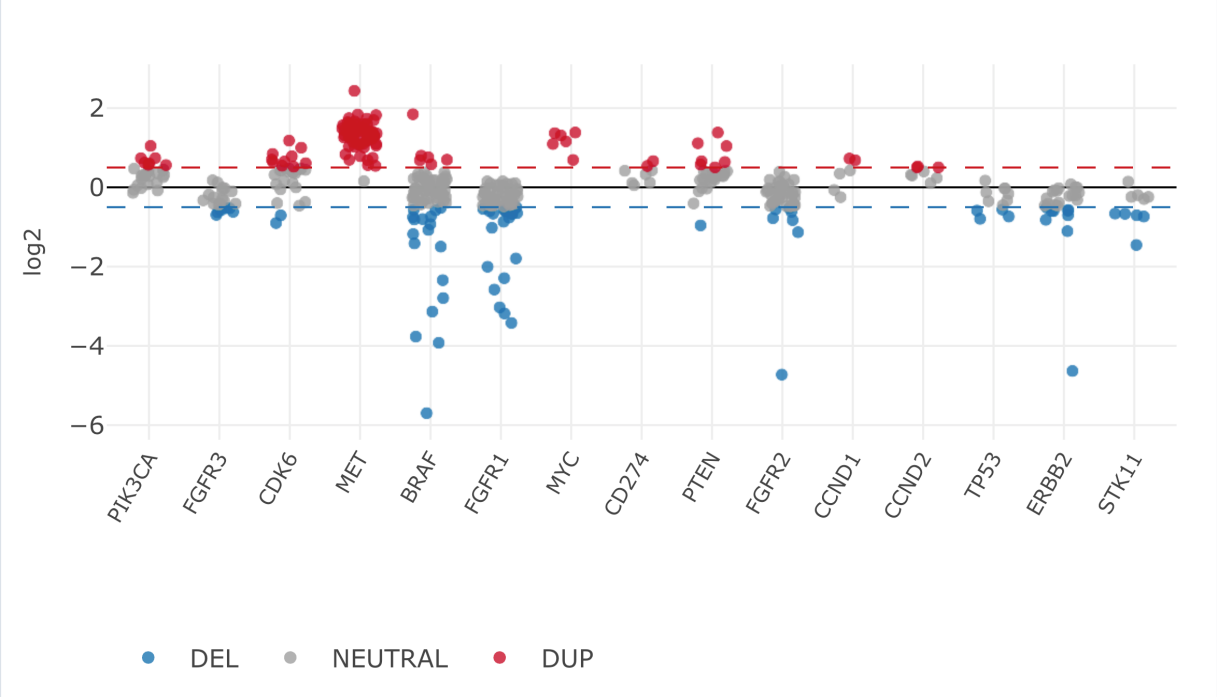
MET rs38852 · Alternatif A: 236 (+), 230 (-) okuma

Pembe: ileri (+) · Mor: geri (-)
Varyant bazına göre sıralı okumalar.

Kopya sayısından füzyonlara.

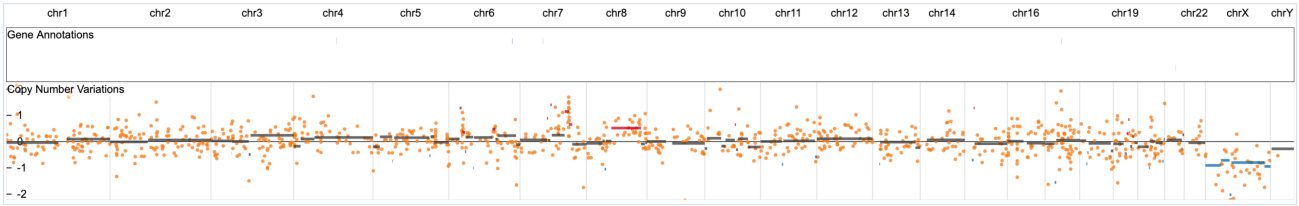
Kopya sayısı değişikliklerini genler ve genomik konumlarıyla inceleyin.
RNA bulgularını moleküler profile ekleyin.

CNV / GEN DÜZEYİNDE İNCELEME



MET ve MYC gibi onkogenlerde kopya sayısı değişimlerini birlikte görün. Bu örnekte MET bölgesindeki artış, gen düzeyindeki grafikte belirgindir.

GENOM BOYUNCA KOPYA SAYISI



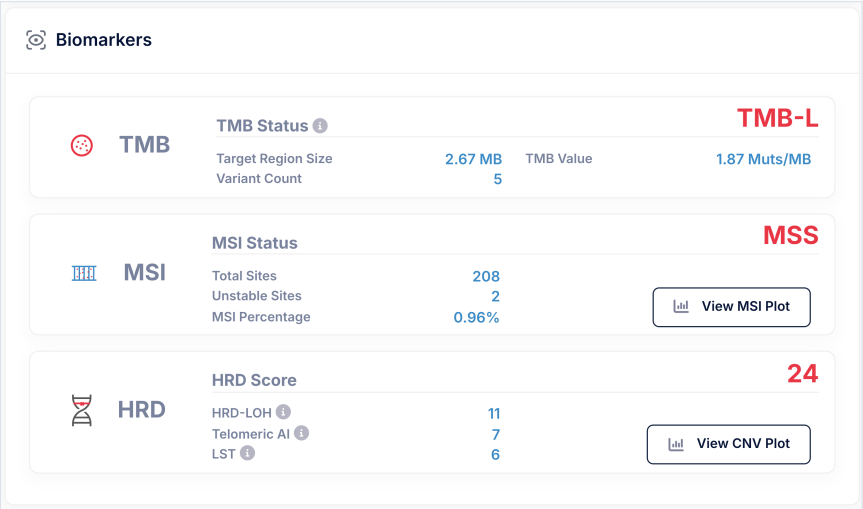
RNA füzyonlarını kanıtlarıyla değerlendirin.

Füzyon ortaklarını, kırılma noktalarını ve okuma desteğini birlikte inceleyin. Arriba ve STAR-Fusion sonuçları değerlendirmeyi destekler.

Biyobelirteçleri birlikte değerlendirin.

TMB, MSI ve HRD sonuçlarından bu sonuçların dayandığı ölçümlere geçin.

TMB · MSI · HRD

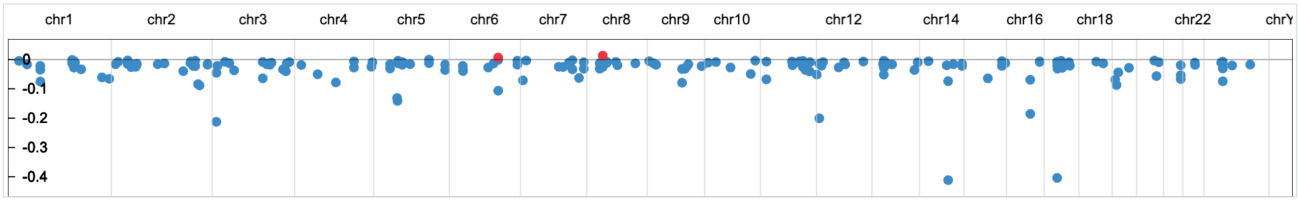


Sonuçtan ayrıntıya.

Biyobelirteçleri tek panelde görün. MSI ve HRD grafiklerini açarak ölçümleri daha yakından inceleyin.

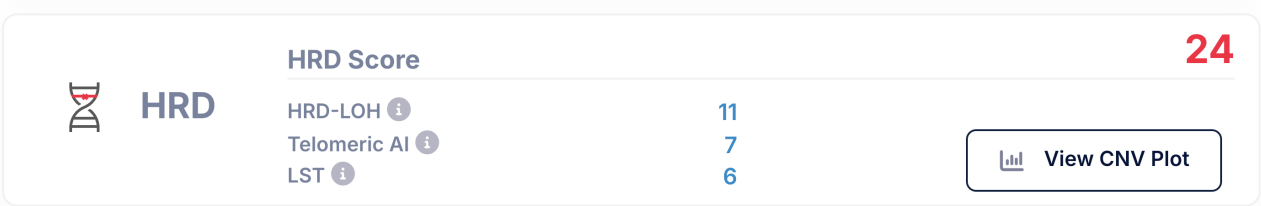
Gennext biyobelirteç paneli · gerçek uygulama görünümü.

MSI / KROMOZOMLAR BOYUNCA



Grafik, mikrosatellit bölgelerini kromozomlar boyunca “Difference” görünümünde gösterir. Kırmızı noktalar kararsız, mavi noktalar kararlı olarak sınıflandırılan bölgeleri belirtir. Bu örnekte 208 bölgenin 2’si kararsızdır (%0,96); sonuç MSS’tir.

HRD / SKOR VE BİLEŞENLERİ

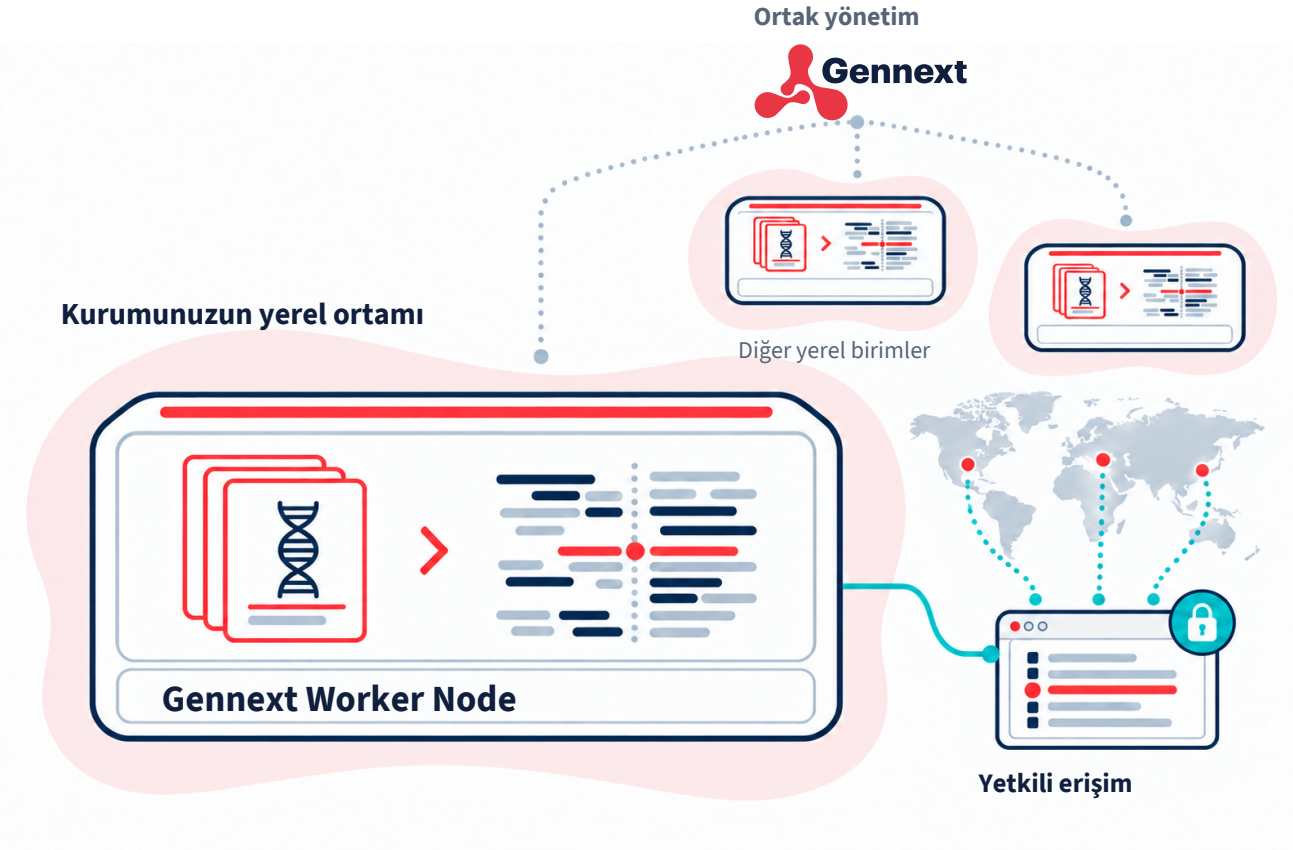


Skoru oluşturan bileşenleri birlikte görün.

HRD-LOH, telomerik allelik dengesizlik ve LST değerlerini inceleyin. “View CNV Plot” ile kopya sayısı ve allelik dağılım grafiğine geçin.

Verileriniz kurumunuzda işlenir ve saklanır.

Gennext Worker Node, genomik verileri kurumunuzda işler ve saklar.
İş akışını Gennext üzerinden yönetin.



Dünyanın her yerinden yetkili erişim.

Analizinize erişimi kullanıcı yetkilerine göre paylaşın.

Yalnızca siz

Analiz ekibiniz

Kurumdaki yetkili kişiler

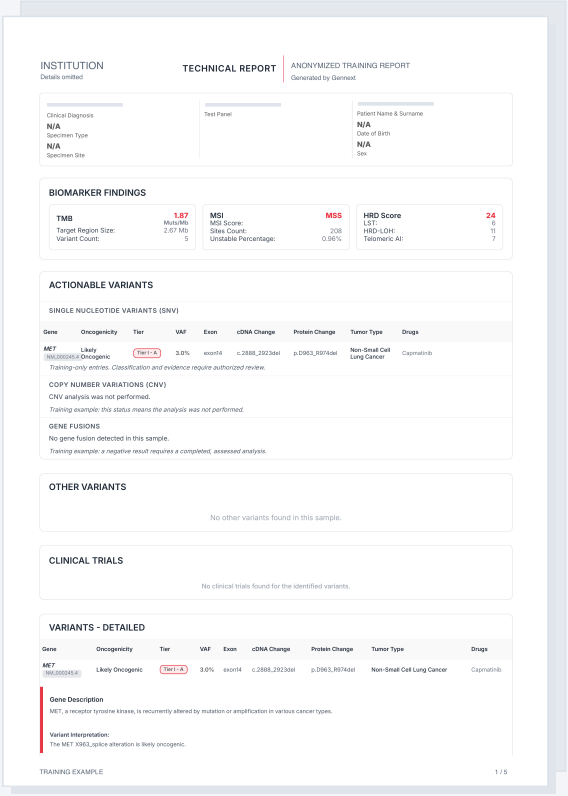
KVKK ve GDPR uyumlu iş akışlarını destekler.

Yerel Worker Node kurulumu ve erişim konumları temsili olarak gösterilmiştir.

Ham veriden rapora.
Kurumunuzun formatında.

Kurumsal rapor formatınız Gennext'e eklenir.
Bulgular ve klinik açıklamalar, kurumunuzun kendi formatında raporlanır.

Örnek rapor · Sayfa 1



INSTITUTION
Details omitted

TECHNICAL REPORT | ANONYMIZED TRAINING REPORT
Generated by Gennext

Clinical Diagnosis: N/A
Specimen Type: N/A
Specimen Site: N/A
Test Panel:
Patient Name & Surname: N/A
Date of Birth: N/A
Sex: N/A

BIOMARKER FINDINGS

TMB	1.87 Muts/Mb	MSI	MSS	HRD Score	24
Target Region Size:	2.67 Mb	MSI Score:		LST:	6
Variant Count:	5	Sites Count:	208	HRD-LOH:	11
		Unstable Percentage:	0.96%	Telomeric AI:	7

ACTIONABLE VARIANTS

SINGLE NUCLEOTIDE VARIANTS (SNV)

Gene	Oncogenicity	Tier	VAF	Exon	cDNA Change	Protein Change	Tumor Type	Drugs
MET NM_000245.4	Likely Oncogenic	Tier I - A	3.0%	exon14	c.2888_2923del	p.D963_R974del	Non-Small Cell Lung Cancer	Capmatinib

Training-only entries. Classification and evidence require authorized review.

COPY NUMBER VARIATIONS (CNV)
CNV analysis was not performed.
Training example: this status means the analysis was not performed.

GENE FUSIONS
No gene fusion detected in this sample.
Training example: a negative result requires a completed, assessed analysis.

OTHER VARIANTS
No other variants found in this sample.

CLINICAL TRIALS
No clinical trials found for the identified variants.

VARIANTS - DETAILED

Gene	Oncogenicity	Tier	VAF	Exon	cDNA Change	Protein Change	Tumor Type	Drugs
MET NM_000245.4	Likely Oncogenic	Tier I - A	3.0%	exon14	c.2888_2923del	p.D963_R974del	Non-Small Cell Lung Cancer	Capmatinib

Gene Description
MET, a receptor tyrosine kinase, is recurrently altered by mutation or amplification in various cancer types.

Variant Interpretation:
The MET X963_splice alteration is likely oncogenic.

TRAINING EXAMPLE 1 / 5

RAPORUN DİĞER SAYFALARI

Gen paneli içeriği

Rapor · Sayfa 3 / kesit

CYLD	*CYP17A1*	*DAXX*	*DCUN1D1*	*DDR1*
DHX15	*DHX9*	*DICER1*	*DIS3*	*DIS3L2*
DOT1L	*DPYD*	*E2F3*	*EED*	*EGFL7*
ELF3	*EML4*	*EP300*	*EPCAM*	*EPHA2*
EPHB4	*ERBB2*	*ERBB3*	*ERBB4*	*ERCC1*
ERRFI1	*ESR1*	*ESR2*	*ETS1*	*ETV1*
EZR	*FAM175A*	*FAM46C*	*FANCA*	*FANCC*
FANCL	*FANCM*	*FAS*	*FAT1*	*FBXO11*

Kapsama ayrıntıları

Rapor · Sayfa 4 / kesit

REGIONS BELOW 50X COVERAGE

GENE	MEAN DEPTH	MIN DEPTH
HLA-A	5x	0x
HLA-C	0x	0x
PPP4R2	534x	2x
HLA-B	71x	16x
RB1	608x	17x
NF1	696x	18x
RANBP2	615x	24x
MAGEC3	156x	33x
ANKRD26	567x	50x

Gennext eğitim raporunun 1., 3. ve 4. sayfalarından örnekler. Kurum ve kimlik bilgileri gizlenmiştir.

Gennext Community ile yazılımı adım adım tanıyın.
Somatik analiz eğitimlerine QR kod üzerinden ulaşın.

Gennext

gennext.bio

Video Eğitimleri

youtube.com/@GennextCommunity

info@gennext.bio · +90 (216) 500 44 71

Gennext'i keşfedin.

Gennext, Geniva Bilişim Sağlık Anonim Şirketi ürünüdür.

İçerenköy Mah. Kayışdağı Cad. Acıbadem Üniversitesi Tıp Fakültesi
C Blok No: 32-36C, TEKMER, Ataşehir / İstanbul